



ANÁLISE DE POLIMORFISMO GENÉTICO DOS FUNGOS *Aspergillus niger* E *Aspergillus carbonarius* ENCONTRADOS EM UVAS VENDIDAS NO COMÉRCIO NA CIDADE DE MARINGÁ-PR

*Janaina Nicolau de Oliveira*¹; *Fernanda Iara Pinto*¹; *Alessandra Valéria de Oliveira*²

RESUMO: A contaminação de alimentos por fungos pode ocasionar riscos à saúde, principalmente quando são produzidas micotoxinas. Dentre essas toxinas, a ocratoxina A (OTA) tem recebido atenção por produzir diversos efeitos tóxicos carcinogênicos, teratogênicos, imunossupressores e nefrotóxicos. A OTA é principalmente produzida por fungos do gênero *Aspergillus* spp., que pode contaminar uvas em seus diversos estágios de produção, sendo que as espécies mais comumente encontradas nestas frutas são o *Aspergillus niger* e *A. carbonarius*. A contaminação pode variar dependendo das características climáticas da região de cultivo da uva, portanto este trabalho tem como objetivo a pesquisa de *Aspergillus niger* e *A. carbonarius* em amostras de uvas coletadas no comércio da cidade de Maringá a fim de se estimar a presença do fungo nas produções da região. Os fungos encontrados também serão analisados geneticamente com o objetivo de se realizar comparação quanto à variabilidade genética existente entre ambas as espécies. Para a realização desta análise, serão feitas culturas em meio Sabouraud a partir das amostras de fruta para obtenção do fungo, que será identificado e seu micélio submetido à extração de DNA com o tampão de extração contendo EDTA, NaCl, Tris-HCL, SDS e clorofórmio-fenol. O material obtido será analisado por método de amplificação de fragmentos via RAPD-PCR que tem se mostrado útil em estudos de variabilidade molecular já que utiliza primers inespecíficos e, portanto não exige conhecimento prévio do genoma, além de possuir baixo custo e ser de fácil execução. Os fragmentos obtidos serão visualizados em gel de agarose através de aparelho transiluminador para se avaliar o polimorfismo genético existente, e os dados obtidos na pesquisa serão tabulados e submetidos à análise estatística.

PALAVRAS-CHAVE: *Aspergillus* spp.; OTA; RAPD; variabilidade genética.

¹ Acadêmicas do curso de Biomedicina. Departamento de Biomedicina do Centro Universitário de Maringá – Cesumar, Maringá – Paraná. Programa de Bolsas de Iniciação Científica do cesumar (PROBIC). janaina.noliveira@hotmail.com, fernanda.iara1906@hotmail.com

² Docente e orientadora do curso de Biomedicina e Ciências Biológicas. Departamento de Ciências Biológicas do Centro Universitário de Maringá – CESUMAR – Maringá – Paraná. alessoli@cesumar.br